

II Curso de Introducción a las Técnicas de Next Generation Sequencing: aplicaciones en ecología y evolución

3 – 7 julio de 2017. Universidad Rey Juan Carlos, Cursos de Verano

Inscripción:

[http://uverano.urjc.es/11133/detail/introduccion-a-las-tecnicas-de-next-generation-sequencing -aplicaciones-en-ecologia-y-evolucion-cv-.html](http://uverano.urjc.es/11133/detail/introduccion-a-las-tecnicas-de-next-generation-sequencing-aplicaciones-en-ecologia-y-evolucion-cv-.html)

Directores: Alfredo García, Carlos Lara y José M. Iriondo

Fechas y horario: 3 al 7 de Julio. 10:00 – 18:00 (L-J),
10:00 – 13:30 (V). Convalidable con créditos ECTS.

Lugar: Campus de Madrid, Universidad Rey Juan Carlos, Paseo de Artilleros S/N. 28032 – Vicálvaro Madrid

Número de Plazas: 25

Matrícula: 120 - 150 €

Dirigido a: Graduados en Biología y ciencias afines. No es necesaria formación previa.

Consultar la disponibilidad de becas y ayudas de la URJC y AEET.

Programa definitivo: las sesiones combinarán charlas teóricas con ejercicios básicos en entornos Linux, R y otras plataformas.

Módulo I. Presentación del curso, Introducción a las técnicas de Next Generation Sequencing. Instalación de software específico y familiarización con entorno Linux

Ponentes: Drs. Alfredo García, Carlos Lara Romero y José M. Iriondo. (Univ. Rey Juan Carlos – IMEDEA, CSIC)

Módulo II. Perdiendo el miedo a los datos. Edición y calidad de la secuenciación. Ejecución de pipelines sencillas

Ponentes: Drs. Alfredo García, Carlos Lara Romero (Univ. Rey Juan Carlos – IMEDEA, CSIC)

Módulo III. Ensamblaje de novo y análisis filogenéticos-filogeográficos

Ponentes: José Carlos del Valle y Dra. Inés Soriguer (Univ. Pablo de Olavide, Sevilla)

Módulo IV. Análisis de múltiples genomas; metagenómica y 16S

Ponentes: Dras. Andrea Sanchez Meseguer y María Razzauti (CBGP-INRA, Montpellier)

Módulo V. Análisis de los elementos repetitivos del genoma

Ponentes: Drs. Sònia García y Vratislav Peska (Institut Botanic de Barcelona – CSIC-ICUB, Barcelona – Univ. Masarykova – Rep. Checa)

Módulo VI. Buscando polimorfismos en el genoma. RAD y GBS y sus aplicaciones

Ponentes: Irene Villa y Yurena Arjona (Real Jardín Botánico de Madrid – CSIC, Madrid)

Módulo VI. Buscando polimorfismos en el genoma. Aproximaciones de captura génica y genotipado de SNPs

Ponente: Dr. Santiago C. González-Martínez (INRA, Burdeos)

Módulo VII. Discusión general y cierre del curso

Organizan:



Colaboran:

